基于骨骼约束的人体运动捕捉数据失真恢复①

汪亚明, 鲁 涛, 韩永华

(浙江理工大学信息学院, 杭州 310018)

通讯作者: 韩永华, E-mail: hanyonghuahan@163.com

摘 要: 针对人体运动捕捉 (Motion Capture, MOCAP) 数据实际采集过程中, 由于光线等因素影响而可能出现的同 一帧中相邻标记点在时间域上连续缺失的情形、利用 MOCAP 数据中存在的潜在相关性和同一运动序列中人体骨 骼长度不变特性, 提出一种新的 MOCAP 数据失真恢复算法. 该算法首先对 MOCAP 数据进行预处理, 使变换后的 数据表示的是相邻标记点的相对位置的变化,由此得到人体骨骼长度约束项,再利用稀疏表示和人体骨骼长度约束 项进行字典训练,最后利用训练得到的字典对缺失的数据进行恢复.通过实验对比表明该算法在提高缺失点坐标恢 复精度的同时,将骨骼长度恢复精度提高到10⁻⁴ cm,验证了算法的可行性和有效性.

关键词: MOCAP 数据失真恢复; 相邻标记点; 骨骼长度约束项; 稀疏表示; 字典训练

引用格式: 汪亚明,鲁涛,韩永华,基于骨骼约束的人体运动捕捉数据失真恢复.计算机系统应用,2018,27(5):17-25. http://www.c-s-a.org.cn/1003-3254/6358.html

Human Motion Capture Data Recovery Based on Skeleton Constraint

WANG Ya-Ming, LU Tao, HAN Yong-Hua

(School of Information Science and Technology, Zhejiang Sci-Tech University, Hangzhou 310018, China)

Abstract: For the situation that the adjacent markers of Motion Capture (MOCAP) data missing for a period of time due to lights and other factors when practically gathering data, a new MOCAP data recovery algorithm is proposed by using the latent correlation and the skeleton constraint in MOCAP data. The algorithm firstly transforms the MOCAP data to represent the changes of the relative position of adjacent markers to acquire the skeleton constraint term. Then the sparse representation and the skeleton constraint term are used for dictionary training which is utilized to recovery missing data. The experiment results show that the algorithm can improve the recovery accuracy of the coordinates of the missing markers and increase the bone length recovery accuracy to 10⁻⁴ cm, and verify the feasibility and effectiveness of the algorithm.

Key words: MOCAP data recovery; adjacent markers; skeleton constraint term; sprase represention; dictionary training

运动捕捉 (Motion Capture, MOCAP) 是一种获取 真实运动数据的技术, 指通过传感设备记录人体在三 维空间中的运动轨迹,并将其转化为抽象的运动数据, 最后根据这些数据驱动物体或者虚拟人体运动的技术. 随着虚拟现实技术的飞速发展, MOCAP 已经广泛地应 用于各个领域,例如计算机动画、电脑游戏、影视动 画、教育医学、运动分析、体育训练、智能监控、运 动仿真等领域. 为了获得精确的数据, 已经有很多 MOCAP 技术, 其中基于光学传感器的运动捕捉技术是 最为流行的技术, 代表性的商业设备有 Motion Analysis 和 Vicon. 但即使是专业的商业运动捕捉设备 在捕捉数据时也会存在标记点缺失的情况. 例如, 采集

收稿时间: 2017-09-12; 修改时间: 2017-09-30; 采用时间: 2017-10-12; csa 在线出版时间: 2018-03-12



① 基金项目: 浙江省自然科学基金重点项目(LZ15F020004); 浙江省自然科学基金一般项目(LY17F020034); 机械工程浙江省高校重中之重学科和浙江 理工大学重点实验室优秀青年人才培养基金 (ZSTUME01B17)

数据时, 标记点被物体或者身体的其他部位遮挡, 或者 在光线的不理想都会使得相机不能捕获该标记点,导 致捕捉到的数据有缺失. 为了避免光线对光学传感器 的影响, CMU 数据库中的数据都是在室内采集到的, 大多只会有个别标记点的缺失, 比较容易恢复. 但有些 特别的运动(如撑杆跳高等)需要在特定的室外场地进 行数据采集, 此时室外光线的存在导致基于红外光采 集信息的设备捕捉标记点运动轨迹时会引起运动轨迹 丢失或出现较大偏移. 同时在室外采集时发现当一个 标记点缺失时, 其相邻的标记点常常也会缺失, 并且这 些缺失会在时间域持续一段时间. 这会导致 MOCAP 数据的空间域和时间域相关信息都被破坏, 所以失真恢 复是 MOCAP 数据直接应用之前的重要处理步骤,而由 于人体运动的复杂性和多样性又给失真恢复带来了难度.

针对上述标记点缺失的问题, 商业设备常用的算 法是插值算法,这些算法适用处理小规模标记点缺失, 对标记点连续缺失的情况恢复效果较差. 为了提高 MOCAP 数据的恢复效果, 国内外人员提出了许多恢复 方法. 现有的 MOCAP 数据失真恢复算法可以分为以 下 3 类: 1) 基于信号处理的算法. 包括高斯滤波、 DCT 变换、傅里叶变换、小波变换、卡尔曼滤波、线 性动力系统 (LDS)[1-5]. 这些方法只是对每一个标记点 进行独立的处理, 忽略了人体结构潜在的相关性, 也就 是各标记点的相关性, 在处理简单运动时是很有效的, 但在处理复杂运动时效果欠佳. 2) 基于低秩填充的方 法. Lai 等[6]首先提出利用人体运动序列的近似低秩性, 将 MOCAP 失真恢复问题转化为矩阵低秩填充问题, 并用奇异值阈值法 (SVT) 恢复缺失的数据. Tan 等[7]注 意到运动轨迹段数据矩阵具有更优良的低秩性,提出 将运动序列重新组织为不同轨迹段的组合进行局部矩 阵补全恢复 (TSMC), 达到了较好的重构效果. 彭淑娟 等[8,9]将运动序列按语义进行分割,得到不同姿态的运 动语义子区间, 再对每个失真运动子片段数据矩阵根 据其更优低秩特性进恢复. Feng 等[10]进一步提出同时 利用运动序列的低秩结构和相邻帧的时域稳定特性来 恢复缺失的数据. 但是由于运动序列实际上只是近似 低秩, 在利用奇异值阈值法恢复时舍去的较小奇异值 必然造成误差,而这个误差就是低秩填充法理论上的 误差下限. 同时, 实际恢复过程中, 当出现数据连续缺 失时恢复效果欠佳. 3) 基于数据驱动的方法. 近年来, 得益于新型运动捕捉设备的发展和捕捉技术的提高,

MOCAP 数据呈现出了爆发性的增长, 为基于数据驱动 的算法提供了足够多的样本,促进了这些算法的改善, 使其能较充分考虑到人体运动的复杂性和多样性. Hou 等[11]利用稀疏表示的特性, 根据同一字典下, 每个 点轨迹的观测数据和缺失数据具有相同的稀疏表示系 数来恢复缺失的数据,提出了基于轨迹稀疏表示的恢 复算法, 充分利用了运动序列的时序特性, 但是没有考 虑人体自身的潜在的相关性. 而 Xiao等提出的算法 (SRMMP)[12]在逐帧恢复的同时, 通过相邻帧和被选取 最多的原子来利用帧与帧之间的相关性,提高了恢复 效果. Feng 等[13-15]进一步提出了先对数据进行预处理, 再通过重叠窗处理利用帧与帧之间的相关性,用训练 得到的字典来恢复数据. 由于人体的骨骼是刚体, 所以 在同一骨骼上的两个标记点之间的距离表示的就是骨 骼的长度,这个长度在整个运动过程中近似常数,但是, 在用上述方法进行恢复时, 骨骼长度可能会发生变化, 特别是当标记点连续很多帧缺失时,恢复后的骨骼长 度误差较大. Li 等[4]首先通过运动数据中未缺失部分 建立缺失数据预测概率模型,接着利用骨骼长度约束 对运动数据进行恢复. 由于该方法对同一段的其他标 记点的依赖性较高,因此,难以进行标记点距离的准确 测量. Tan[16]在矩阵填充的基础上利用骨骼长度不变这 一约束,进一步提高了精确度,但是同样地具有低秩填 充的固有近似误差.

上述算法在针对标记点连续缺失的情形时,都不 能同时保持缺失点坐标恢复精度和骨骼长度恢复精度. 综合以上方法的优缺点, 为了同时提高缺失点坐标恢 复精度和骨骼长度恢复精度,本文提出一种基于人体 骨骼长度约束和稀疏表示理论的改进算法. 该算法根 据 MOCAP 数据的的特性, 首先对数据进行预处理, 使 变换后的数据表示的是相邻标记点的相对位置的变化, 由此得到骨骼长度约束项. 然后在字典训练时, 加入骨 骼长度约束项, 使训练得到的字典在重构运动序列时 能够保持人体骨骼长度不变的特性. 最后再利用训练 得到的字典和骨骼长度约束项, 对失真数据进行恢复. 通过加入骨骼长度约束项,来提高缺失标记点坐标的 恢复精度和运动序列骨骼长度的恢复精度, 便于后续 对 MOCAP 数据的储存和处理.

1 数据预处理

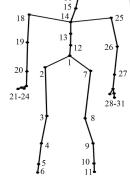
图 1 为本实验室采集 MOCAP 数据所用设备中的

18 专论•综述 Special Issue



运动捕捉专用服装、marker 点展示图和 CMU 数据库 (http://mocap.cs.cmu.edu/) 中的 marker 点拓扑图. 人体 运动捕捉数据主要记录的是人体骨架标记点的空间位 置及其运动轨迹信息,通常运动捕捉数据直接得到的 是标记点在世界坐标系下的三维坐标, 而后续的存储 (如 vicon) 一般是通过储存每个标记的平移和旋转信息 来储存数据, 其中的旋转信息通过欧拉角表示. 这些反 映坐标变化的数据存储在 AMC 文件中, 而一些不变的 数据, 如标记点的初始位置, 自由度和骨骼长度单独储存 在 ASF 文件中, 这样的存储方式无疑避免了数据冗余. 通过 AMC 和 ASF 文件能够解析出 MOCAP 数据在世 界坐标系下的表示,从而能够利用和编辑 MOCAP 数据.





(a) 运动捕捉专用服装、marker点展示图

(b) 捕捉数据的marker点结构图

图 1 运动捕捉设备和捕捉数据展示图

通过以上分析可知保持 MOCAP 数据中骨骼长度 信息不变对后续的存储至关重要,同样,在编辑和利用 MOCAP 数据时保持骨骼长度不变也非常重要, 否则会 使创造出的人体模型发生畸变. 由于在世界坐标系表 示下的 MOCAP 数据, 其坐标数值是复杂多变的, 即使 是相似的运动, 在用世界坐标系表示时, 其相应的各标 记点的三维坐标值可能也会有很大的差异, 对此, Feng 等[13-15]提出坐标标准化法和按人体不同部位将数据分 别处理的方法. 其中坐标标准化方法是通过平移和旋 转变换将各标记点的坐标都转化为相对于 Root 点的 局部坐标, 这样的坐标表示更能体现各运动数据的相 似性.

1.1 坐标标准化

基于以上的 MOCAP 数据的特性和要求, 本文对 原始世界坐标系下的 MOCAP 数据 X 进行变换. 和 Feng 等[13-15]有所不同,本文将各标记点标在原始世界坐标

系下的坐标转化为表示相邻标记点坐标差的局部坐标. 同一骨骼上两个标记点的相对距离表示的就是人体骨 骼长度,但因不同人的骨骼长度很可能不相等,从而导 致即使同一运动路径、同一运动方式产生的标准化坐 标也会产生差异, 在字典训练时会使同一类运动的样 本间差异性很大. 所以要先对运动序列进行骨骼长度 标准化处理. 具体算法如下[17].

如图 2 所示,将人体结构图划分为 5 个运动链接, 每个链都是一个关节点集合:

 $c1=\{1, 2, 3, 4, 5, 6\}, c2=\{1, 7, 8, 9, 10, 11\}, c3=\{1, 6, 6, 7, 7, 8, 9, 10, 11\}, c3=\{1, 7, 8, 9, 10, 10, 11\}, c3=\{1, 7, 8, 9, 10, 10, 10\}, c3=\{1, 7, 8, 9, 10$ 12, 13, 14, 15, 16, 17}, *c*4={14, 25, 26, 27, 28, 29, 30, 31}, c5={14, 18, 19, 20, 21, 22, 23, 24}, 集合中的数字 对应图 2 和图 1(b) 中的标记点.

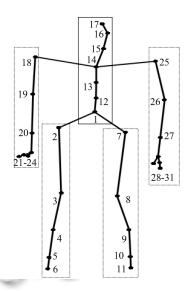


图 2 人体组成部位分割图

初始化: $\Delta y^{(k)} = 0$, 其中 $k = 1, 2, \dots, 31$, 并令 $y_c^{(1)} = y^{(1)}$. 循环计算:

对 j=2→ c_i 集合的长度;

 $\Leftrightarrow k=c_i, k-1=c_i[j-1];$

根据公式 (1) 计算得到 $y_c^{(k)}$;

根据公式 (2) 计算得到 $\Delta v^{(k)}$;

终止里层循环

终止外层循环

$$y_c^{(k)} = \Delta y^{(k-1)} + \frac{y^{(k)} - y^{(k-1)}}{\|y^{(k)} - y^{(k-1)}\|_2} L_{k,k-1}$$
 (1)

$$\Delta y^{(k)} = y_c^{(k)} - y^{(k)} \tag{2}$$

其中, $v^{(k)}$ 表示第 k 个关节点的三维坐标, 是第 k-1个关节点的子节点, $L_{k,k-1}$ 表示第 k 个关节点与第 k-1个关节点之间的标准骨骼长度. $y_c^{(k)}$ 表示第 k 个关节点 标准化处理后的坐标. 令 $F = [F_1, F_2, \cdots, F_N]$ 为骨骼长 度标准化后的数据,其中N表示一共有N帧, F_i 表示 第 i 帧数据, 即:

 $F_i = [X_{i,1}, Y_{i,1}, Z_{i,1}, X_{i,2}, Y_{i,2}, Z_{i,2}, ..., X_{i,d}, Y_{i,d}, Z_{i,d}]^{\mathrm{T}}$ 其中, d表示一共有 d个点, $X_{i,i}$, $Y_{i,i}$, $Z_{i,i}$ 分别表示序列 F 第 i 帧的第 j 个点的 X 轴, Y 轴, Z 轴坐标.

此时 F 表示的仍然是世界坐标系下的 MOCAP 数 据,为了变换为局部坐标,定义初等变换矩阵E,令 $F1=E\times F$,表示整个运动序列中由同一根骨骼连接的标 记点的坐标之差,例如,第 i 帧的点 2 分别与点 1 和点 3 在同一根骨骼上, 点 d 和点 (d-1) 在同一根骨骼上, 则 $F1_i$ 如下式所示:

$$F1_{i} = [X_{i,1}, Y_{i,1}, \overline{Z_{i,1}}, X_{i,2} - \overline{X_{i,1}}, Y_{i,2} - Y_{i,1}, Z_{i,2} - Z_{i,1}, X_{i,3} - X_{i,2}, Y_{i,3} - Y_{i,2}, Z_{i,3} - Z_{i,2}, \cdots, X_{i,d} - X_{i,d-1}, Y_{i,d} - Y_{i,d-1}, Z_{i,d} - Z_{i,d-1}]^{T}$$
(4)

变换后的坐标表示的是同一骨骼上相邻标记点的 坐标差,即为局部坐标,反映了各标记点相对位置.

为了利用骨骼不变这个约束,再进行如下处理:

$$F2 = sign(F1)(F1 * F1)$$
(5)

*表示哈达码乘积, 该式将 F1 的每个元素平方, 同时保 留符号信息来消除平方带来的相对位置的模糊性. 对 F1 缺失部分的符号可以通过相邻帧对应点的符号得 到,对于缺失较长时间的序列可以先利用矩阵填充[6] 理论来粗略地恢复数据,从而得到符号信息.根据骨骼 长度不变这个条件,可以得到 F2 中同一个点的三个坐 标的绝对值之和始终为定值,即:

$$Ti \times F2_i = Ti \times F2_i = L \quad i, j \le N$$
 (6)

其中, L 表示骨骼长度矩阵, $L = [l_1, l_2, \dots, l_n]$, n 为骨骼 个数; T为变换矩阵, 用于对 F2 中同一个点的三个坐 标的绝对值求和(通过符号信息可以很容易地消掉绝 对值). 在恢复缺失数据的过程中, 保持这个约束便可 以满足 MOCAP 数据的骨骼长度不变性.

经过以上处理得到的 F2 为坐标标准化后的数据, 可以体现运动数据的本质特征, 使相似运动数据的差 异性变小. 同时这个处理过程在保留 F1 的符号信息的 情况下是可逆的:

20 专论•综述 Special Issue

$$\mathbf{F} = \mathbf{E}^{-1}\{\operatorname{sign}(\mathbf{F1}) * \operatorname{sqrt}[\operatorname{sign}(\mathbf{F1}) * \mathbf{F2})]\}$$
 (7)

其中, sqrt() 表示对矩阵每个元素求平方根.

为了表明上述处理过程没有破坏运动序列的相关 性, 对原始序列 X 和变换后的序列 F2 别进行奇异值 分解,将奇异值从大到小排列,并进行归一化处理[6](每 个奇异值除以所有奇异值的和), 于是得到X和F2的 标准化奇异值图谱.

通过图 3 发现 F2 的曲线和 X 的曲线趋于 0 的速 度相当, 甚至先趋于 0, 说明 F2 的秩更低, 其数据相关 性相比原始数据并没有减少甚至更高.

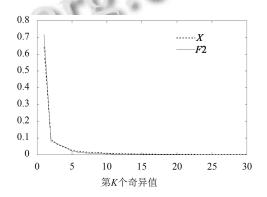


图 3 序列 49_02 的标准化奇异值

1.2 分割组合

按图 2 所示的划分将 MOCAP 数据分成 5 个部分 来分别处理[13-15]. 因为人体进行不同种类运动时, 人体 的某个部位的运动往往是相似的, 所以按人体不同部 位划分后分别处理可以更好地体现 MOCAP 数据的局 部特征. 如表 1 所示, 用相对坐标差代替世界坐标来表 示各部分组成标记点.表1中的数字相减表示对应点 的各坐标值相减. 经过变换后的坐标点表示的就是相 邻标记点的相对位置,整个 MOCAP 数据表示的是相 邻标记点的相对位置变化.

各部位组成点 身体部位 组成点 1^{2} , $(12-1)^{2}$, $(13-12)^{2}$, $(14-13)^{2}$, $(15-14)^{2}$, $(16-15)^{2}$, $(17-16)^{2}$ 14^{2} , $(18-14)^{2}$, $(19-18)^{2}$, $(20-19)^{2}$, $(21-20)^{2}$, $(22-21)^{2}$, $(24-21)^2$, $(23-22)^2$ 14^2 , $(25-14)^2$, $(26-25)^2$, $(27-26)^2$, $(29-27)^2$, $(31-27)^2$, 右胳膊 $(30-29)^2$ 1^2 , $(2-1)^2$, $(3-2)^2$, $(4-3)^2$, $(5-4)^2$, $(6-5)^2$ 左腿

由于本文针对的是同一帧中相邻标记点连续缺失 的情况, 这样的分割处理可能会导致处理后的某一部

 1^{2} , $(7-1)^{2}$, $(8-7)^{2}$, $(9-8)^{2}$, $(10-9)^{2}$, $(11-10)^{2}$

分的标记点缺失很多, 甚至可能全部缺失, 所以再将这 5部分每相连的3部分组合,充分利用各个部位运动时 存在的相关性. 组合方式如表 2 所示.

表 2 各部位组合表

	702 日前 医蛋白化		
序号	组成部位		
躯干	左胳膊, 躯干, 左腿		
左胳膊	左胳膊,躯干,右胳膊		
右胳膊	左胳膊,躯干,左腿		
左腿	右胳膊,躯干,右腿		
右腿	躯干, 左腿, 右腿		

分割组合后每个部分表示如下:

$$F3^{i} = [F3_{1}^{i}, F3_{2}^{i}, \cdots, F3_{N}^{i}], i = 1, 2, \cdots, 5$$
 (8)

1.3 滑动窗处理

如果对 MOCAP 进行逐帧独立处理, 将会忽略了 帧与帧之间的相关性, 所以用滑动窗处理数据, 将连续 几帧的数据合为一列[13-15],这样就充分发掘了相邻帧 之间的相关性.

对于式 (8) 中的 $F3_i$ 用大小为 M 的滑动窗进行处 理, 它将会产生 S=N-M+1 个有重叠的序列, 其中第 i 个序列为:

$$F3(M)_{i}^{i} = [F3_{(j-1)\times M+1}, \cdots, F3_{j\times M}]$$
 (9)

将这M帧合为一列,记为 Y_i ,所以最终得到预处 理后的数据如下式:

$$Y^{i} = [Y_{i}^{i}, Y_{2}^{i}, \cdots, Y_{S}^{i}], R^{d_{i} \times M} \to R^{(d^{i}) \times 1}$$

 $i = 1, 2, \cdots, 5, d^{i} = d_{i} \times M$ (10)

2 稀疏表示理论和字典训练

2.1 稀疏重构理论

用稀疏表示来恢复缺失数据的模型如下,设X为 某一信号的真实数据, A 为其退化算子. 用下式表示观 测到的数据:

$$X1 = AX \tag{11}$$

设冗余字典D为关于X的一个字典,通过稀疏编 码求解下式:

$$\begin{cases} \min_{W} & ||W||_{0} \\ \text{s.t. } X = DW \end{cases}$$
 (12)

可以得到一个足够稀疏的向量W0, 使得X=DW0. W0 满足 $\|W0\|_0 < spark(D)/2$. spark() 表示稀疏度, 表 示矩阵中线性相关的最小列数. 当只有观测部分的数

据 X1 时, 通过求解下式:

$$\begin{cases} \min_{\mathbf{w}} & ||\mathbf{W}||_0 \\ \text{s.t. } \mathbf{X1} = \mathbf{ADW} \end{cases}$$
 (13)

可以得到观测数据 X1 关于退化后的字典 AD 也 存在一个稀疏表示向量 W1, 使得 X1=ADW1. 假设 W1 是足够稀疏的, 也就是满足 $\|W1\|_0 < spark(AD)/2$, 由 于退化算子 A 使字典 D 的稀疏度变小, 即 $spark(AD) \le$ $spark(\mathbf{D})$, 进一步得到 $\|\mathbf{W}\mathbf{1}\|_0 < spark(\mathbf{A}\mathbf{D})/2 \leq spark(\mathbf{D})$, 再根据 uniquess-spark[18]理论可知, W1 同时也是式 (12) 的最稀疏的可能解. 所以可以通过求解观测数据关于 退化后的字典 AD 的稀疏表示向量来恢复整个数据. 以上分析概括为, 先求解式 (13) 得到稀疏解 W=W1, 然 后通过 X=DW1 来重构完整的数据 X.

2.2 字典训练

为了减小重构误差,要进行字典训练得到合适的 字典. 用来进行训练的是进行预处理后的数据. 字典训 练的目标函数是最小化观测部分和缺失部分的稀疏表 示的差异, 也就是要最小化重构误差. 但是和 Feng 等 提出的 SMBS[15]算法不同, 本文不仅最小化缺失部分 的重构误差, 还考虑到观测部分的轻微噪声, 为了训练 出能精确地重构观测部分的字典,将观测部分的重构 误差也考虑进来, 所以本文字典训练的目标函数是最 小化整个运动序列的重构误差.

在理想字典 D 下, 通过求解下式, 可以得到稀疏表 示系数.

$$\min_{\mathbf{W}^{i}} \|\mathbf{A}^{i} \mathbf{Y}^{i} - \mathbf{A}^{i} \mathbf{D}^{i} \mathbf{W}^{i}\|_{F}^{2} + \lambda_{1} \|\mathbf{W}^{i}\|_{1}$$
 (14)

其中 Y^i 为预处理后的数据, $A^i = [A^i_1, A^i_2, \cdots, A^i_S]$, 表示 与 Y, 中每一帧相对应的退化算子.

根据整个序列的重构误差定义损失函数为:

$$L^{i}(Y^{i}, \mathbf{D}^{i}, \mathbf{W}^{i}) = \sum_{j=1}^{N} \frac{1}{2} ||Y_{j}^{i} - \mathbf{D}^{i} \mathbf{W}_{j}^{i}||_{F}^{2}$$
 (15)

根据式 (6) 和 (14) 构造骨骼长度约束:

$$\mathbf{B}^{i}\mathbf{L} = \mathbf{B}^{i}\mathbf{T}\mathbf{D}^{i}\mathbf{W}^{i} \tag{16}$$

其中, B^i 是与退化算子 A^i 对应的骨骼提取算子, 作用 是提取骨骼矩阵中的缺失部分. 式 (16) 左边的 L表示 的是已知的骨骼矩阵, 右边 TD'W 表示的是恢复后的 骨骼矩阵,

在损失函数式(15)中加入骨骼长度约束项、来最

小化骨骼长度恢复误差:

$$\begin{cases}
\min_{W} \frac{1}{2} \|A^{i}Y^{i} - A^{i}D^{i}W^{i}\|_{F}^{2} + \lambda_{1} \|W^{i}\|_{1} \\
+ \frac{\lambda_{2}}{2} \|B^{i}L - B^{i}T^{i}D^{i}W^{i}\|_{F}^{2} \\
\text{s.t. } D^{i} = [D_{1}^{i}, ..., D_{K}^{i}], \|D_{m}^{i}\|_{2} \leq 1, 1 \leq m \leq K^{i}
\end{cases}$$

$$\Xi \times P^{i}, O^{i}:$$
(17)

$$\mathbf{P}^{i} = \begin{pmatrix} \mathbf{A}^{i} \mathbf{Y}^{i} \\ \sqrt{\lambda_{2}} \mathbf{B}^{i} \mathbf{L} \end{pmatrix}, \quad \mathbf{Q}^{i} = \begin{pmatrix} \mathbf{A}^{i} \\ \sqrt{\lambda_{2}} \mathbf{B}^{i} \mathbf{T}^{i} \end{pmatrix} \mathbf{D}^{i}$$
(18)

则字典训练的目标函数如下式:

$$\begin{cases}
\min_{\boldsymbol{D}} \boldsymbol{L}^{i}(\boldsymbol{Y}^{i}, \boldsymbol{D}^{i}, \boldsymbol{W}^{i}) \\
\text{s.t. arg } \min_{\boldsymbol{W}_{i}} \frac{1}{2} \|\boldsymbol{P}^{i} - \boldsymbol{Q}^{i} \boldsymbol{W}^{i}\|_{F}^{2} + \lambda_{1} \|\boldsymbol{W}^{i}\|_{1} \\
\|\boldsymbol{D}_{m}^{i}\|_{2} \leq 1, 1 \leq m \leq K^{i}
\end{cases} \tag{19}$$

对于式 (19) 可以交替求解 \mathbf{W}' 和 \mathbf{D}' . 固定稀疏 \mathbf{W}' , 式 (19) 变为:

$$\begin{cases} \min_{\boldsymbol{D}^{i}} \frac{1}{2} \|\boldsymbol{P}^{i} - \boldsymbol{Q}^{i} \boldsymbol{W}^{i}\|_{F}^{2} \\ \text{s.t. } \boldsymbol{D}^{i} = [\boldsymbol{D}_{1}^{i}, \cdots, \boldsymbol{D}_{K}^{i}], \|\boldsymbol{D}_{m}^{i}\|_{2} \leq 1 \end{cases}$$
 (20)

用拉格朗日对偶^[19]求解式 (20), 得到字典 D^i . 固定字典 D^i , 式 (19) 变为:

$$\min_{\mathbf{W}^{i}} \frac{1}{2} \|\mathbf{P}^{i} - \mathbf{Q}^{i} \mathbf{W}^{i}\|_{F}^{2} + \lambda_{1} \|\mathbf{W}^{i}\|_{1}$$
 (21)

式 (21) 是一个 L1 范数最小化问题, 可以用增广拉格朗日对偶法^[20]求解, 也可以用近端梯度下降法^[21]求解.

交替求解式 (20) 和式 (21) 可以得到能有效用于 重构数据的字典.

整个字典的训练过程和 K-SVD^[22]算法类似, 只是在求解稀疏表示系数时有所不同.

3 数据恢复

3.1 目标函数

当得到字典后,对测试样本进行稀疏求解.为了方便表示求解过程,同时不失一般性,对变量进行简写,通过下式表示的目标函对数据逐列求解稀疏表示系数.

$$\begin{cases} \min_{W} & ||W||_{1} \\ \text{s.t. } AY = ADW, BL = BTDW \end{cases}$$
 (22)

其中, Y表示预处理后的测试样本某一帧的数据, A、W, 分别表示相应的退化算子和待求系数, AY表示已知的观测数据, B 为骨骼提取算子, BL 表示缺失部分

22 专论•综述 Special Issue

的骨骼长度矩阵.

3.2 目标函数求解

在观测部分有轻微噪声时, 骨骼约束项反过来会影响系数 W来更好地对观测部分数据去噪. 令 Y1=AY, 将式 (22) 写为:

$$\begin{cases} \min_{W} \frac{1}{2} ||Y\mathbf{1} - ADW||_{F}^{2} + \lambda_{1} ||W||_{0} \\ \text{s.t.} \quad BL = BTDW \end{cases}$$
 (23)

再将式 (23) 写成无约束的拉格朗日形式,同时用L1 范数近似非凸的 L0 范数:

$$\min_{\mathbf{W}} \frac{1}{2} ||\mathbf{Y}\mathbf{1} - \mathbf{A}\mathbf{D}\mathbf{W}||_{F}^{2} + \lambda 1 ||\mathbf{W}||_{1} + \frac{\lambda_{2}}{2} ||\mathbf{B}\mathbf{L} - \mathbf{B}\mathbf{T}\mathbf{D}\mathbf{W}||_{F}^{2}$$
(24)

式 (24) 是一个 LASSO 问题的变形, 用近端梯度 下降法[^{21]}求解。

$$\min_{\mathbf{W}} \quad g(\mathbf{W}) + h(\mathbf{W}) \tag{25}$$

其中,

$$g(\mathbf{W}) = \frac{1}{2} ||\mathbf{Y}\mathbf{1} - \mathbf{D}\mathbf{W}||_{F}^{2} + \frac{\lambda_{2}}{2} ||\mathbf{B}\mathbf{L} - \mathbf{B}\mathbf{T}\mathbf{D}\mathbf{W}||_{F}^{2}$$
 (26)

$$h(\mathbf{W}) = \lambda_1 ||\mathbf{W}||_1 \tag{27}$$

g(W) 是凸的, 可微的, h(W) 是闭凸的.

对于任意的凸函数 f(W), 定义 proximal map 算子如下:

$$prox_{t,f(\mathbf{W})} = \arg\min_{\mathbf{U}} (f(\mathbf{U}) + \frac{1}{2t} ||\mathbf{U} - \mathbf{W}||_{F}^{2})$$
 (28)

其中, t 为步长. 根据近端梯度算法^[21]可知, W^* 的迭代公式如下:

$$\mathbf{W}^{k} = prox_{t^{k}, h(\mathbf{W})}(\mathbf{W}^{k-1} - t^{k}\nabla g(\mathbf{W}^{k-1}))$$
 (29)

其中,

$$\nabla g(\mathbf{W}) = -(\mathbf{A}\mathbf{D})^{\mathrm{T}}(\mathbf{Y}\mathbf{1} - \mathbf{A}\mathbf{D}\mathbf{W})$$
$$-\lambda_{2}(\mathbf{B}\mathbf{T}\mathbf{D})^{\mathrm{T}}(\mathbf{B}\mathbf{L} - \mathbf{B}\mathbf{T}\mathbf{D}\mathbf{W})$$
(30)

将式 (29) 带入式 (28) 得:

$$\begin{aligned} \boldsymbol{W}^{k} &= \underset{\boldsymbol{U}}{\text{arg min}} \; (\; h(\boldsymbol{U}) \; \; + \frac{1}{2t^{k}} \|\boldsymbol{U} - \boldsymbol{W}^{k-1} + t^{k} \nabla g(\boldsymbol{W}^{k-1})\|_{\mathrm{F}}^{2}) \\ &= \underset{\boldsymbol{U}}{\text{arg min}} \; (\; \lambda_{1} \|\boldsymbol{U}\|_{1} + \frac{1}{2t^{k}} \|\boldsymbol{U} - \boldsymbol{W}^{k-1} \; + t^{k} \nabla g(\boldsymbol{W}^{k-1})\|_{\mathrm{F}}^{2}) \end{aligned}$$

$$(31)$$

式 (31) 利用软阈值算法可得:

$$W^{k} = \operatorname{sign}(W^{k-1} - t^{k} \nabla g(W^{k-1}))$$

$$* \max(|W^{k-1} - t^{k} \nabla g(W^{k-1})| - 2t^{k} \lambda_{1}, 0)$$
(32)

步长 t 的更新如下式所示:

$$\begin{cases} th^{k} = \frac{1}{2} \frac{|\Delta \boldsymbol{W}|}{|\Delta \boldsymbol{W}^{\mathrm{T}}(\nabla \mathbf{g}(\boldsymbol{W}^{k}) - \nabla \mathbf{g}(\boldsymbol{W}^{k-1}))|} \\ \Delta \boldsymbol{W} = \frac{1}{2} (\boldsymbol{W}^{k} - \boldsymbol{W}^{k-1}) \\ t^{k} = \min(\alpha t^{k-1}, \max(\beta t^{k-1}, th^{k})) \end{cases}$$
(33)

其中 α 和 β 为给定常数. 所以交替求解式 (31) 和式 (33) 得到 W, 再由 W 求得 Y_r...

求得 Y_r 后, 通过求重叠部分的平均值消除延迟窗 的作用,通过式(7)逆变换求得预处理前的数据,然后 组合各部分获得完整的数据, 再通过骨骼标准化算法 最终可以得到原始的数据 X_r .

4 实验

4.1 实验设计

由于字典训练对的训练集数量要求比较大,而本 实验室的所采集的数据有限 (MOCAP 数据采集比较 耗时), 无法单独使用这些数据作为训练集, 所以实验 从 CMU 数据库中选取 3 种不同的运动: run, boxing, basketball, 在每一类运动中随机选取两个序列做测试 集,其余的作为训练集.这三种运动分别对应跑步,拳 击和篮球, 是比较有代表性的三种运动. 其中跑步代表 了运动过程中具有一定周期性的的运动, 而其它两种 代表不具周期性的运动. 而且在进行这三种运动时, 身 体每个部位的运动都比较剧烈, 在采集数据时各个位 置的标记点也容易发生缺失.

当对测试集进行预处理时,由于标记点有缺失,同 一骨骼上的标记点坐标相减时,会导致缺失点变多 ——如果点 2 分别与点 1 和点 3 在同一根骨骼上, 那 么当点2缺失时,点2与点3,点2与点1的坐标之差 都无法计算,即视为缺失.如果原数据缺失的标记点成 随机分布, 那么预处理后的数据的缺失会大大增加, 极 端情况会导致缺失数据翻倍. 如图 4 所示 (方框选中的 部分表示缺失),本文针对的是实际采集数据过程中经 常出现的同一帧中相邻标记点在空间域和时间域连续 缺失的问题, 而对这样的缺失数据进行预处理, 不会导 致处理后的数据增加过多额外的缺失.

本实验利用实验室的设备采集了与这三种运动相 类似的运动数据. 当同一帧中相邻标记点连续缺失时, 参考采集数据中缺失数据的缺失分布,对所选训练集 和测试集构造一系列退化算子, 使得测试集的缺失更 加符合实际情况. 最终构造的退化算子分为两类, 每类 都使测试样本连续缺失 40% 帧, 第一类使缺失帧缺失 连续缺失3个标记点,第二类使缺失帧连续缺失6个标 记点. 最后, 为了验证本算法对轻微噪声的鲁棒性, 直 接对预处理后的测试样本添加信噪比为60的高斯噪声.

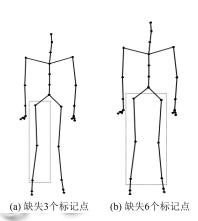


图 4 缺失标记点位置示意图

实验中主要有 6 个参数. 在进行字典训练时 λ, 从 集合{10⁻², 10⁻³, 10⁻⁴, 10⁻⁵, 10⁻⁶}中选取进行调节, 最终 定为 10⁻⁴; λ₂ 从集合 {0.1, 0.2, 0.3, 0.4, 0.5, 0.6, 0.7} 中选 取调节, 定为 0.4; 原子个数 K 设为 1000, M 设为 6. 对 测试集进行失真恢复时, λ_1 同样设为 10^{-4} , λ_2 也是从集 合{0.1, 0.2, 0.3, 0.4, 0.5, 0.6, 0.7}中选取调节, 若根据每 一帧的缺失不同分别选取不同的 \(\lambda\),会提高恢复精确 度, 但考虑到计算效率并综合整个序列的恢复精度, λ, 也设为 0.4.

4.2 实验仿真结果

图 5 和图 6 分别表示序列 09_01(run) 每一帧缺失 3个标记点和6个标记点时的恢复情况,从上到下分别 为真实的序列, 缺失的序列和用本文算法恢复的序列.

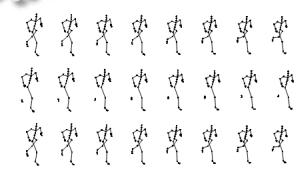
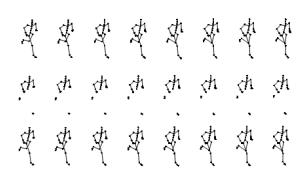


图 5 缺失 3 个标记点的运动恢复序列比较图

从图 5 和图 6 可知,恢复的运动序列在视觉上几 乎和真实的运动序列一样.

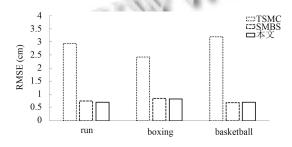
用均方根误差 (Root Mean Squared Error, RMSE) 从数值上来衡量恢复误差.



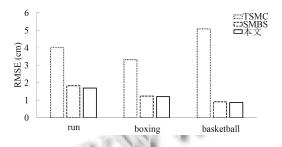
缺失6个标记点的运动恢复序列比较图

X为真实数据, X_r 为实验恢复的数据, n_n 为缺失的 数据的总个数.

图 7 和图 8 分别表示在缺失标记点数目为 3 和 6 (包括各种不同缺失位置的情形), 连续缺失帧数为整个 序列帧数 40% 的情况下, 三种运动在 TSMC[10]算法, SMBS[15]算法和本文算法恢复下的平均坐标恢复误差.



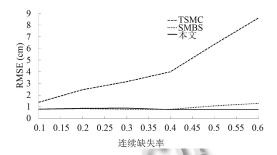
每帧缺失3个标记点时不同算法的误差 图 7



每帧缺失6个标记点时不同算法的误差

本实验还比较了不同算法的坐标恢复误差随着缺 失率增加的变化情况、图 9 为序列 06 02(basketball) 在 缺失标记点数为6时的误差变化图.

由图 9 可知、TSMC 算法对缺失率变化很敏感、随 着缺失率的增加,坐标恢复误差会明显增加;而 SMBS 算法和本文算法对不同的缺失率的恢复效果很 稳定. 这是因为 SMBS 算法和本文算法都利用了同一 帧标记点之间的相关性,而 TSMC 算法主要是利用数 据的统计特性,连续缺失率的增加会破坏数据的统计 特性. 另一方面本文利用了骨骼约束, 会提高坐标恢复 的稳定性.



不同算法的坐标恢复误差变化图

由图 6 到图 9 的实验结果可知,本文算法在坐标 恢复精度上明显好于 TSMC 算法, 当缺失率小于 0.4 时, 本文算法和 SMBS 算法恢复效果相当, 但随着 缺失率的增加,本文算法将好于 SMBS 算法.

本实验还比较了在不同算法下恢复的骨骼长度误 差. 用下式来表示骨骼长度误差:

$$RMSE_{\text{skel}}(\boldsymbol{L}, \boldsymbol{L}_r) = \sqrt{\frac{1}{n_I} \|\boldsymbol{L} - \boldsymbol{T}\boldsymbol{L}_r\|_{\text{F}}^2}$$
 (34)

其中, n_L 为总的骨骼数, L_r 为恢复数据的骨骼矩阵.表3 为每帧标记点缺失数为 6 时的比较结果 (单位为 cm).

表 3 各算法骨骼长度误差 (单位: cm)

算法	TSMC	SMBS	本文
run	1.753	0.356	5.61e-4
boxing	0.562	0.325	3.76e-4
basketball	0.789	0.494	4.96e-4

通过表3可知本文算法恢复的骨骼长度误差远小 于其它两种算法, 精确度达到 10⁻⁴ cm.

综合上述实验结果可知,本文提出的算法同时提 高了坐标恢复精度和骨骼长度恢复精度.

5 结论与展望

本文通过使用一种新的预处理数据的方法,将运 动序列进行骨骼标准化处理,消除不同人体的骨骼长 度差异的影响, 再将各标记点坐标从原始世界坐标系 下的坐标转化为表示相邻标记点坐标差的局部坐标, 减小运动数据的差异性, 使不同运动序列的局部运动 也具有相似性. 为了充分利用局部运动的相似性, 又将 运动序列按人体部位进行分割组合处理. 在字典训练 时,通过重叠窗处理充分利用了帧与帧之间的相关性, 使恢复的运动序列更具连续性. 通过最小化重构误差

24 专论•综述 Special Issue

来获得训练字典的目标函数,同时加入骨骼约束项,使 训练的字典在重构运动序列时能保持骨骼长度的不变 的特性. 在得到字典后, 通过近端梯度下降法来求得解 系数,从而获得重构的运动数据,最后通过逆变换获得 最终的运动序列. 实验结果表明文提出的算法, 在保持 良好的恢复效果的同时,保持了骨骼长度不变性,这使 得恢复的运动序列更加自然,也便于数据后续的存储.

在接下来的工作里,将研究如何利用深度学习来 恢复失真的人体运动捕捉序列. 准备将 MOCAP 数据 的特性和用于图像恢复的深度学习算法相结合,提出 基于深度学习的 MOCAP 数据失真恢复算法.

参考文献

- 1 Bruderlin A, Williams L. Motion signal processing. Proceedings of the 22nd Annual Conference on Computer Graphics and Interactive Techniques. New York, NY, USA. 1995. 97-104.
- 2 Yamane K, Nakamura Y. Dynamics filter-concept and implementation of online motion generator for human figures. IEEE Transactions on Robotics and Automation, 2003, 19(3): 421-432. [doi: 10.1109/TRA.2003.810579]
- 3 Hsieh CC, Kuo PL. An impulsive noise reduction agent for rigid body motion data using B-spline wavelets. Expert Systems with Applications, 2008, 34(3): 1733-1741. [doi: 10.1016/j.eswa.2007.01.030]
- 4 Li L, McCann J, Pollard N, et al. BoLeRO: A principled technique for including bone length constraints in motion capture occlusion filling. Proceedings of the 2010 ACM SIGGRAPH/Eurographics Symposium Animation. Madrid, Spain. 2010. 179-188.
- 5 Li L, McCann J, Pollard NS, et al. DynaMMo: Mining and summarization of coevolving sequences with missing values. Proceedings of the 15th ACM SIGKDD International Conference on Knowledge Discovery and Data Mining. Paris, France. 2009. 507-516.
- 6 Lai RYQ, Yuen PC, Lee KKW. Motion capture data completion and denoising by singular value thresholding. Proc Eurographics Association, 2011, 11(3): 924-929.
- 7 Tan CH, Hou JH, Chau LP. Human motion capture data recovery using trajectory-based matrix completion. Electronics Letters, 2013, 49(12): 752-754. [doi: 10.1049/ el.2013.0442]
- 8 彭淑娟, 赫高峰, 柳欣, 等. 基于运动分割和稀疏低秩分解 的失真人体运动捕捉数据恢复. 计算机辅助设计与图形学 学报, 2015, 27(4): 721-730, 737.
- 9 赫高峰, 彭淑娟, 柳欣, 等. 结合模糊聚类和投影近似点算 法的缺失人体运动捕捉数据重构. 计算机辅助设计与图形 学学报, 2015, 27(8): 1416–1425.

- 10 Feng YF, Xiao J, Zhuang YT, et al. Exploiting temporal stability and low-rank structure for motion capture data refinement. Information Sciences, 2014, (277): 777 -793. [doi: 10.1016/j.ins.2014.03.013]
- 11 Hou JH, Chau LP, He Y, et al. Human motion capture data recovery via trajectory-based sparse representation. Proceedings of the 20th IEEE International Conference on Image Processing. Melbourne, VIC, Australia. 2014. 709-713.
- 12 Xiao J, Feng YF, Hu WY. Predicting missing markers in human motion capture using 11-sparse representation. Computer Animation & Virtual Worlds, 2011, 22(2-3): 221-228.
- 13 Xiao J, Feng YF, Ji MM, et al. Sparse motion bases selection for human motion denoising. Signal Processing, 2015, (110): 108–122. [doi: 10.1016/j.sigpro.2014.08.017]
- 14 Feng YF, Ji MM, Xiao J, et al. Mining spatial-temporal patterns and structural sparsity for human motion data denoising. IEEE Transactions on Cybernetics, 2015, 45(12): 2693-2706. [doi: 10.1109/TCYB.2014.2381659]
- 15 Wang Z, Feng YF, Liu S, et al. A 3D human motion refinement method based on sparse motion bases selection. Proceedings of the 29th International Conference on Computer Animation and Social Agents. Switzerland. 2016. 53-60.
- 16 Tan CH, Hou JH, Chau LP. Motion capture data recovery using skeleton constrained singular value thresholding. The Visual Computer, 2015, 31(11): 1521-1532. [doi: 10.1007/ s00371-014-1031-5]
- 17 Lai RYQ, Yuen PC, Lee KW, et al. Interactive character posing by sparse coding. arXiv:1201.1409, 2012.
- 18 Elad M. Sparse and Redundant Representations: From Theory to Applications in Signal and Image Processing. New York, USA: Springer, 2010: 44-46.
- 19 Lee H, Battle A, Raina R, et al. Efficient sparse coding algorithms. Proceedings of the 19th International Conference on Neural Information Processing Systems. Cambridge, MA, USA. 2006. 801-808.
- 20 Yang AY, Sastry SS, Ganesh A, et al. Fast \(\ell 1 \)-minimization algorithms and an application in robust face recognition: A review. Proceedings of the 17th IEEE International Conference on Image Processing. Hong Kong, China. 2010. 1849-1852.
- 21 Beck A, Teboulle M. A fast iterative shrinkage-thresholding algorithm for linear inverse problems. SIAM Journal on Imaging Sciences, 2009, 2(1): 183 -202. [doi: 10.1137/ 080716542]
- 22 Aharon M, Elad M, Bruckstein A. rmK-SVD: An algorithm for designing overcomplete dictionaries for sparse representation. IEEE Transactions on Signal Processing, 2006, 54(11): 4311–4322. [doi: 10.1109/TSP.2006.881199]

