E-mail: csa@iscas.ac.cn http://www.c-s-a.org.cn Tel: +86-10-62661041

基于拓扑结构约束和特征增强的医学影像标志 点定位算法^①



张灵西

(复旦大学 计算机科学技术学院, 上海 200438) 通信作者: 张灵西, E-mail: lxzhang19@fudan.edu.cn

摘 要:现有的医学影像标志点定位算法未能很好地利用医学影像本身固有的特点,且不能很好地感知医学影像蕴 含的精细特征.本文提出基于拓扑结构约束和特征增强的医学影像标志点定位算法,利用标志点之间的拓扑结构不 变性来提升算法的定位精度,并通过为网络引入多分辨率注意力机制和多分支空洞卷积模块实现增强特征的提取, 使得网络不仅可以加强对重要特征的关注,还可以在不增加计算量和参数量的情况下提升对上下文特征的感知能 力.使用公开数据集的实验表明,本文提出的算法在各个指标上均超过了当前主流算法,具有较高的标志点定位 精度.

关键词: 医学影像分析; 标志点定位; 拓扑结构约束; 特征增强; 深度学习

引用格式: 张灵西.基于拓扑结构约束和特征增强的医学影像标志点定位算法.计算机系统应用,2022,31(9):173-182. http://www.c-sa.org.cn/1003-3254/8700.html

Landmark Localization Algorithm for Medical Images Based on Topological Constraints and Feature Augmentation

ZHANG Ling-Xi

(School of Computer Science, Fudan University, Shanghai 200438, China)

Abstract: The existing landmark localization algorithms for medical images cannot make good use of the inherent characteristics of medical images and cannot well perceive their subtle features. Therefore, this study proposes a landmark localization algorithm for medical images, which is based on topological constraints and feature augmentation. It uses the invariant topological structure among landmarks to improve the localization accuracy of the algorithm, and multi-resolution attention mechanisms and multi-branch dilated convolution modules are introduced into the network to extract augmented features. The network can not only pay more attention to important features but also improve the perception of context features without increasing the amount of computation and the number of parameters. Experiments on public datasets demonstrate that the proposed method outperforms the current mainstream algorithms in every indicator and achieves higher accuracy.

Key words: medical image analysis; landmark localization; topological constraints; feature augmentation; deep learning

近年来,人工智能技术的飞速发展在医疗领域受 到广泛关注.与此同时,随着医学数据集的不断扩增、 硬件计算能力的快速提升以及应用算法的突破性进展, 人工智能在医疗场景中的技术积累日渐成熟,应用范 围逐步拓宽.2019年1月,由上海交通大学人工智能研 究院领衔发布的《人工智能医疗白皮书》^[1]中指出,

收稿时间: 2021-12-27; 修改时间: 2022-01-29; 采用时间: 2022-02-15; csa 在线出版时间: 2022-06-16

① 基金项目: 上海市市级科技重大专项 (2017SHZDZX01)

人工智能在医疗领域应用最广的场景就是医学影像分析,该领域更是被业内人士认为是最有可能率先实现 商业化的人工智能医疗领域.

医学影像可以直观地呈现人体内部的解剖结构与 病灶信息,通过医学图像便可观察病人身体内部器 官、组织的变化情况,是医生在临床诊断和手术规划 时的重要辅助手段.在临床实践中,往往首先需要根据 人体骨骼结构对医学影像中的解剖标志点进行标记, 再通过这些标志点和参考线计算相关的线段长度或测 量角度,进而完成疾病的诊断^[2].由此可见,解剖标志点 定位的准确性对于临床影像分析具有重要意义.深度 学习为利用人工智能技术进行医学影像标志点定位开 辟了新的视角:深度神经网络通过学习大规模的医学 影像数据,对原始输入图片进行多层非线性变换,进而 实现从数据中归纳出从低级到高级的特征^[3],摒弃了传 统方法中根据领域知识手动提取特征的过程,进而使 计算机自动完成解剖标志点定位的影像分析任务.

由此可见,标准规范的影像数据及数据标注是利 用人工智能算法进行医学影像分析发展的基础.然而, 与自然图像的获取不同,医学影像的获取十分艰难:一 方面,训练样本的获取需要成本高昂的专业影像采集 设备;另一方面,影像数据的标注需要受过专门培训的 专业医生参与,而由于临床、科研任务重,医疗专家往 往没有时间进行大量的数据标注工作.因此,医学影像 领域本身面临着高质量标注数据匮乏的现实.在这种 情况下,如何利用医学影像本身所固有的特点,进一步 提升网络的特征提取能力,更好地挖掘有限数据中更 多的特征,进而实现自动化提取、测量和分析影像学 表型,对于辅助医生快速诊断疾病具有重要的理论价 值和现实意义,不仅可以有效提升医学影像自动读片 效率、降低患者就医成本,还可以在一定程度上缓解 地区医疗水平差距大、医疗资源分布不均等社会问题.

本文提出了一种基于拓扑结构约束和特征增强的 医学影像标志点定位算法,使用多任务 U-Net 网络^[4] 作为骨干网络,利用医学影像上各个标志点之间形成 的拓扑结构具有变换不变性这一特点,为网络添加额 外的约束;通过为网络引入多分辨率注意力模块^[5],为 不同分辨率下的特征图生成不同分辨率的注意力信息, 使网络加强对重要特征信息的关注,以避免图像中其 他冗余特征的干扰;此外,受启发于空洞空间金字塔池 化结构 (atrous spatial pyramid pooling, ASPP)^[6],本文通 过使用多分支空洞卷积来实现增大感受野的目的,多 个分支并行操作可以同时捕获不同尺度的上下文信息, 且空洞卷积的使用也避免了参数量的增加.

本文的贡献可总结为以下4个方面:

(1)考虑到各个解剖标志点之间的拓扑关系存在 结构不变性的特点,本文为深度神经网络加入拓扑结 构约束,并提出结构不变性损失来增强网络的特征提 取能力.

(2) 通过在网络内部嵌入多分辨率注意力机制,为 不同分辨率的特征图生成不同分辨率的注意力系数图, 帮助网络提取与标志点更相关的特征.

(3) 通过在低层特征和高层特征的融合阶段引入 多分支空洞卷积层,在不增加网络参数量的情况下实 现增大卷积层感受野的作用范围,使网络更好地感知 上下文信息.

(4)本文在公开数据集上验证了提出算法的有效 性.实验表明,本文算法在各个指标上超过了当前主流 的解剖标志点定位算法.

1 相关工作

医学影像解剖标志点定位是临床诊断中非常重要 的预处理步骤,是制定医学治疗计划的基础环节.在实 践中,往往需要首先对重要的解剖标志点进行准确定 位、测量,进而才能完成如骨龄预测^[7]、膝关节手术^[8]、 骨盆外伤手术^[9]及颌面部手术^[10]等医学诊疗任务.

传统的解剖标志点定位方法大致可分为两类:基 于模型的方法和基于回归的方法^[11].基于模型的方法 根据预定义的模板迭代地找到最佳的标志点位置,并 通过形状模型调节全局空间形状^[12,13];基于回归的方 法则直接从图像特征回归标志点坐标^[14].除此之外,还 有部分学者提出了基于先验知识的边缘检测方法^[15,16], 然而此类方法只能成功检测位于清晰边缘的标志点, 且先验知识的引入使得算法对解剖结构变化较为敏感, 降低了算法的泛化能力.

随着人工智能技术的不断发展,学术界已经提出 了一系列基于深度学习的医学影像解剖标志点定位方 法,此类方法利用深度神经网络自动地学习图像特征 并进行标志点定位,避免了传统方法依赖手工定义特 征的弊端,不仅提升了标志点定位的准确程度,且减少 了定义特征的人力和时间成本.

基于深度学习的解剖标志点定位算法的主要思路

174 软件技术•算法 Software Technique•Algorithm

是输入图像和对应的标志点坐标,深度神经网络自动 挖掘图像特征并选出图像上概率最大的像素点作为预 测坐标,通过不断降低预测坐标和真实坐标之间的损 失以不断优化网络参数,进而实现标志点自动定位. Zhang 等人^[17] 提出了一种两阶段的深度学习方法, 在 第1阶段利用基于回归模型的卷积神经网络学习局部 图像和目标解剖标志点之间的内在关联,在第2阶段 进一步建模各个局部图像之间的关联,进而实现在有 限的训练数据上实时联合检测多个解剖标志点. Oh 等 人^[18] 提出了一个新的头影测量标志点检测框架, 该框 架通过引入局部特征扰动器 (local feature perturbator, LFP) 和解剖上下文损失 (anatomical context loss, AC loss), 使得卷积神经网络在训练期间可以学习更丰富 的解剖上下文特征. Chen 等人^[10] 提出了基于自注意力 模块的方法,该方法可以提取语义增强的多层次融合 特征, 以提升标志点定位的精度. Paver 等人[19] 将空间 结构信息引入深度神经网络来定位标志点,从而利用 标志点之间的结构关系预测标志点在图片各个像素上 出现的概率.此外,对于 3D 影像数据, Yang 等人^[8]提 出可以将 3D 空间视为 2D 正交平面的组合,使用常规 卷积神经网络处理3组独立的2D磁共振图像(magnetic resonance imaging, MRI) 切片, 并将 3D 位置定义 为3个2D切片的交点.

然而,现有方法大多具有以下3个主要问题:

(1)标志点定位过程中未能挖掘医学影像本身固 有的特点.医学影像中的解剖结构往往相对固定,而标 志点位置通常与解剖结构密切相关.以上方法大多利 用深度神经网络强大的非线性拟合能力,未能针对医 学影像固有的结构特点进行优化.

(2) 特征提取过程中缺乏对显著特征的关注. 深度 神经网络提取的特征图中不同位置的特征往往对于预 测结果有着不同的重要程度, 有的特征对于预测标志 点位置至关重要, 而有的特征对于预测结果作用较小, 属于冗余特征. 冗余特征的存在为实现精准的标志点 定位带来额外开销.

(3) 特征融合的过程中缺乏对上下文信息的利用. 医学影像中的器官位置及骨骼结构等信息通常有助于 判断解剖标志点的位置, 而这些信息则蕴含在更大的 感受野之中. 但传统的卷积操作只能对局部特征进行 处理, 往往忽略了上下文特征所带来的额外信息.

因此,本文立足于医学影像本身固有的结构特点, 提出基于拓扑结构约束和特征增强的医学影像标志点 定位算法,利用标志点之间拓扑关系的结构不变性构 建额外约束,通过多分辨率注意力机制和多分支空洞 卷积结构提升网络对精细特征的提取能力以及上下文 信息的感知能力,使得网络可以更好地挖掘医学影像 的结构和语义,并提取鲁棒性更强的特征,进而取得更 好的标志点定位效果.

2 网络结构与算法原理

考虑到医学影像数据一般较少,且图像中的语义 和结构都对预测标志点坐标具有重要意义,所以网络 预测时不仅需要利用高层语义特征,还需要同时考虑 低层结构特征.因此,本文使用可以同时结合低层特征 和高层特征的 U-Net^[20] 作为主干网络,提出一种新的 解剖标志点定位模型,模型整体流程如图 1 所示.



图1 标志点定位整体流程

为避免网络直接预测坐标具有较大的偏差,本文 使网络同时预测热点图 (heatmap) 和偏移图 (offset map),其中热点图表示标志点在图中每个像素位置出 现的概率,偏移图表示标志点与真实标志点之间的坐 标偏移,分为 x 轴和 y 轴两个方向.将输入图片和经仿 射变换后的图片输入到深度神经网络,对于原图使用 根据真实坐标计算的热点图和偏移图构建损失函数; 对于仿射变换的图片,由于标志点之间形成的拓扑结 构也将发生相同的仿射变换,因此,此时网络预测的热 点图和偏移图,与输入原图时预测的热点图和偏移图 之间,可构成一种额外的结构约束,使网络更好地学习 图像结构,并基于此构建结构不变性损失,最后模型将 结合两部分损失得到标志点坐标的预测结果. 用于预测热点图和偏移图的深度神经网络结构如 图 2 所示.对于输入的医学影像,神经网络提取不同分 辨率的特征图,同时为不同分辨率的特征图计算各个 像素的重要程度,以生成不同分辨率的注意力系数图, 实现加强对重要特征的关注,削弱冗余特征的影响.通 过将 U-Net 网络每一层级的普通的上采样部分改为多 分支空洞卷积结构,使得网络可以同时感知多尺度的 上下文特征,进而能够更好地确定标志点位置.网络将 经注意力加权后的低层特征与对应层级的高层特征进 行拼接后得到新特征,将该特征输入解码器经过上采 样再得到下一层级的高层特征,通过上述方式,网络不 仅可以加强对重要特征的关注,还可以同时考虑不同 尺度的上下文信息,提升了网络的特征提取能力.



2.1 多任务 U-Net 网络

U-Net 网络采用编码器-解码器结构, 编码器部分 通过下采样操作得到多个分辨率的低级特征图, 解码 器部分通过上采样操作将低级特征图逐层上升为与编 码器相应层级相同的分辨率, 直至恢复为原图分辨率. 网络在每一层级采用跳跃连接 (skip connection) 来结 合同层级的高级特征图和低级特征图, 并使用拼接后 的特征图作为该层级的上采样层输入. 这种方式结合 了低层特征所包含的信息, 避免直接使用最后一层特 征进行损失计算, 通过利用多尺度特征有效提升网络 精度.

本文使用多任务 U-Net 网络^[4] 同时预测热点图和 偏移图, 对于图片 X 中坐标为(x_i,y_i)的第*i*个标志点, 其

176 软件技术•算法 Software Technique•Algorithm

热点图Yh可由高斯函数计算,如式(1)所示:

$$Y_i^h(x,y) = \exp\left[-\frac{1}{2\sigma^2}\left((x-x_i)^2 + (y-y_i)^2\right)\right]$$
(1)

其 x 轴方向的相对偏移 Y^{ox}和 y 轴方向的相对偏移 Y^{oy}的计算方式如式 (2) 所示:

$$Y_i^{o_x} = \frac{x - x_i}{\sigma}, Y_i^{o_y} = \frac{y - y_i}{\sigma}$$
(2)

本文中使用二值交叉熵损失函数L^h来惩罚预测热 点图和真实热点图之间的差异,使用 L1 损失函数L^o来 惩罚坐标偏移. 令 f^h(X)表示网络预测的热点图, f^o(X) 表示网络预测的坐标偏移图,为了使热点图和偏移图 所包含的信息进行有机的结合,损失函数的构建将同 时考虑热点图和偏移图对预测结果的约束,这部分的 损失函数 L_{label} 如式 (3) 所示,其中, α 为权重系数, $\mathbb{I}(Y_i^h > \lambda)$ 为指示函数,表示只考虑热点图值高于阈值 λ 的像素.

$$L_{\text{label}} = \alpha L^{h}(Y^{h}, f^{h}(X)) + \mathbb{I}(Y^{h}_{i} > \lambda) \sum_{o \in \{o_{x}, o_{y}\}} L^{o}(Y^{o}, f^{o}(X))$$
(3)

网络输出的热点图、x 轴偏移图和 y 轴偏移图均 为 19 个通道, 每个通道代表对一个标志点的预测信息. 在检测阶段, 根据网络预测的坐标偏移图, 对所有热点 图值高于λ的像素点进行投票, 将第i个通道中的获胜 位置作为第i个标志点的最终预测结果.

2.2 拓扑结构约束

受启发于等价标志点变换^[21],本文提出基于仿射 变换的拓扑结构约束方法,根据标志点之间拓扑结构 的整体性质构建额外的约束,使网络可以学习到更鲁 棒的标志点特征.

给定图像*X*和仿射变换*T*, *X'* = *T*(*X*, θ)表示图像 *X*经仿射变换*T*后的结果, θ 为仿射变换参数,此时图像 *X'*上的标志点坐标也将发生相同的仿射变换.因此,将 图像*X'*输入到深度神经网络*f*所得到的结果,应当与原 图像*X*输入到神经网络*f*所得到的结果遵循同样的仿射 变换,即存在*f*(*T*(*X*, θ)) = *T*(*f*(*X*, θ)),图 3 为拓扑结构约 束的示意图,以旋转变换为例.



图 3 拓扑结构约束(以旋转为例)

基于此,利用图像中标志点所形成的拓扑结构经 过仿射变换后自相似的性质,通过分别对比图像变换 前后网络输出的热点图以及偏移图之间的相似程度, 可以构成一种额外的约束,使网络能够捕获标志点之 间所蕴含的结构信息,进而提取鲁棒性更强的特征,本 文中使用 MSE 损失函数来惩罚图像变换前后网络的 预测差异来构建结构不变性损失,如式(4)所示:

$$L_{\text{affine}} = \|f(T(X,\theta)) - T(f(X),\theta)\|^2$$
(4)

该部分也需同时考虑热点图和偏移图的信息,因此该部分的损失函数 $L_{\text{structure}}$ 如式 (5)所示,其中 α 为权重系数, $\mathbb{I}(Y_i^h > \lambda)$ 为指示函数.

$$L_{\text{structure}} = \alpha L_{\text{affine}}(f^h, \theta) + \mathbb{I}(Y_i^h > \lambda) \sum_{o \in \{o_x, o_y\}} L_{\text{affine}}(f^o, \theta)$$
(5)

此时,模型总的损失函数如式(6)所示:

$$L = L_{\text{label}} + L_{\text{structure}} \tag{6}$$

2.3 多分辨率注意力机制

U-Net 网络可以获取不同分辨率的特征图, 进而得 到不同比例下的标志点信息, 然而原始的 U-Net 网络 只是简单地把低层特征和高层特征进行拼接, 无法实 现加强对图像中重要区域的关注.本文通过引入注意 力门控 (attention gate, AG) 模块^[5], 使编码器获取的低 层特征在经过注意力门控调整之后, 再与解码器得到 的高层特征进行拼接, 进而加强网络对显著特征的关 注, 并抑制不相关的冗余特征的影响.

注意力门控模块搭载于 U-Net 网络的跳跃连接部 分,其结构如图 4 所示.g为解码器部分经上采样得到 的特征图,x为编码器部分经下采样得到的特征图.首 先分别将g和x经过 1×1 卷积Wg和Wx降低通道数,再将 得到的两部分特征图相加并通过 ReLU 函数进行非线 性激活,然后将激活后的特征图经过 1×1 卷积ψ转化为 单通道的特征图,最后对该特征图施加 Sigmoid 函数得 到注意力系数图Att.通过这种方式计算得到的注意力 系数图,强调了在低层特征图和高层特征图中同时重 要的区域.Att的计算方式如式(7)所示.

 $Att = Sigmoid\left(\psi_{1\times 1}\left(ReLU\left(W_{g_{1\times 1}}\left(g\right) + W_{x_{1\times 1}}\left(x\right)\right)\right)\right) \quad (7)$

将α与x相乘得到经注意力加权后的特征x.由于注意力系数图反映了特征图中不同位置的重要程度,因此在x中越重要的位置具有越高的权重.最后将x 与 g通道拼接后继续输入上采样层.

通过在不同层级的跳跃连接加入注意力模块,可 以获得不同分辨率下的注意力系数图.在训练过程中, 注意力系数图将不断进行更新,从而使网络可以逐渐 修正重要特征的位置信息,最终实现对不同分辨率特 征图中重要区域的关注,提升模型的特征提取能力.



图 4 注意力门控模块

2.4 多分支空洞卷积结构

在对医学影像进行解剖标志点定位时,通常需要 考虑器官位置及骨骼结构等额外信息,故而需要增大 网络的感受野以使模型能够捕获更多的上下文特征. 网络的感受野大小由卷积核的大小所决定,而更大的 卷积核在带来更大感受野的同时也引入了更多的参数. 空洞卷积^[6]通过在卷积核中插入权值为0的空洞实现 在不增加模型参数量的情况下增大网络感受野,卷积 核各值之间的间距称为扩张率,对于扩张率为*r*,卷积 核大小为*k*×*k*的空洞卷积,其感受野的计算方式如式 (8) 所示. 图 5 为扩张率为 2,卷积核大小为 3×3 的空洞 卷积示意图.



本模块旨在利用多尺度感受野以获得更丰富的特征信息,达到提升标志点定位精度的目的.受启发于语义分割任务中常用的ASPP结构^[6],本文提出一种适用于医学影像标志点定位的多分支空洞卷积结构,并将其应用于模型的解码器部分.每个分支使用不同扩张率的空洞卷积层,不同的分支提取不同尺度的上下文信息,使解码器在融合低层特征与高层特征的过程中,可以在更大程度上捕获像素特征之间的相关性,进而更好地恢复图像的空间位置等信息.

定义多分支空洞卷积结构的参数为(k,R),其中k表示卷积核大小,R表示各个分支扩张率的组合,即R=

178 软件技术•算法 Software Technique•Algorithm

(*r*₁,*r*₂,…,*r_n*), 其中, *r*₁,*r*₂,…,*r_n*分别表示*n*个分支上的 *n*种不同的扩张率,该部分结构如图 6 所示.



图 6 多分支空洞卷积

将不同扩张率的空洞卷积提取的不同尺度的特征 图分别经过批归一化和 ReLU 激活层后进行通道拼接, 再使用 1×1 卷积将拼接后的新特征降低通道数, 输入 接下来的上采样层. 通过这种方式, 不仅解决了特征融 合的过程中缺乏对上下文信息的利用这一问题, 并且 在不增加参数量和计算量的基础上使网络可以更好地 关注多尺度特征, 进而提升网络预测标志点的准确性.

3 实验及分析

本文基于公开数据集进行实验,首先探究损失函 数中权重系数a对模型性能的影响;随后探究多分支空 洞卷积结构的不同扩张率组合对模型性能的影响;接 着将本文算法与目前公开发表的论文中先进的算法进 行对比,实验结果表明本文提出的算法在各个指标上 取得了更好的效果;最后对网络的不同模块进行消融 实验,以验证拓扑结构约束、多分辨率注意力机制和 多分支空洞卷积结构对于提升模型性能的有效性;最 后对本文算法的定位效果进行结果展示.

3.1 数据集介绍

X 光头影测量分析可用于正颌外科的辅助诊断,

以弄清畸形的特征,并进一步进行治疗设计及疗效预测.本文使用 IEEE ISBI 2015 Challenge 提供的头影测量标志点定位公开数据集^[22]进行实验,该数据集收集了400位病人的400幅头影测量X光图片,并分为150张训练集和250张测试集.数据集中每幅图片的像素大小为1935×2400,每个像素大小为0.1×0.1 mm²,包含19个头颅解剖标志点的标记信息,每个标志点由两名医生进行手动标记和检查.数据集中的原始头影测量X光片及其上标注的19个标志点如图7所示,19个标志点的详细信息如表1所示.



图 7 头影测量 X 光片及 19 个标志点

	表 1	19	个解剖	标志	点详细	信	息
--	-----	----	-----	----	-----	---	---

标号	解剖标志点	标号	解剖标志点
1	蝶鞍点	11	下切牙点
2	鼻根点	12	上中切牙点
3	眶点	13	上唇突点
4	耳点	14	下唇突点
5	上齿槽座点	15	鼻下点
6	下齿槽座点	16	软组织颏前点
7	颏前点	17	后鼻棘点
8	颏下点	18	前鼻棘点
9	颏顶点	19	关节点
10	下颌角点	1	111 2 2

3.2 实验设置

本文实验中网络的编码器部分使用 ImageNet^[23] 上预训练的 VGG-19 网络^[24].由于本文使用的数据集 中图片分辨率较高,因此将图片缩放至 800×640 大小, 并归一化至 [-1,1] 区间.模型在 4 个 NVIDIA GeForce RTX 2080 Ti GPU 上进行训练,批大小设置为 4,初始 学习率设置为 0.001,每 150 次迭代乘以 0.1 减小学习 率,权值衰减系数设置为 0.000 1,共迭代 300 次,阈值 λ参考 Yao 等人^[4] 设置为 0.6. 拓扑结构约束部分每张 图片仅发生一种仿射变换,每种变换以均等概率发生, 其具体参数如表 2 所示,变换示例如图 8 所示,从左至 右分别为旋转变换、放缩变换、平移变换、翻转变换.

	表 2 仿射变换参数	
变换方式	变换参数	发生概率
旋转变换	$-45^{\circ} \sim +45^{\circ}$	0.25
放缩变换	$0.8 \sim 1.2$	0.25
平移变换	$-15\% \sim +15\%$	0.25
翻转变换	_	0.25



图 8 仿射变换示例

3.3 评价指标

本文中采用 IEEE ISBI 2015 Challenge 提供的平 均径向误差和成功检测率作为评价指标,以评估算法 效果.

(1) 平均径向误差 (mean radial error, *MRE*):用于衡 量算法所获取的标志点位置与真实标志点位置之间的 欧氏距离,计算方式如式 (9) 所示,其中Δx¹表示第i张 图上第*l*个预测标志点和真实标志点在 x 轴上的绝对误 差,Δy¹表示在 y 轴上的绝对误差, n为图片张数.该指标 取值越低,表明算法预测的标志点位置越准确.

$$MRE = \frac{\sum_{i=1}^{n} \sum_{l=1}^{19} R_{i}^{l}}{n}, R_{i}^{l} = \sqrt{(\Delta x_{i}^{l})^{2} + (\Delta y_{i}^{l})^{2}} \quad (9)$$

(2) 成功检测率 (successful detection rate, SDR):用于衡量算法检测标志点的精确度,计算方式如式 (10) 所示,其含义为如果预测的标志点和真实标志点之间 欧氏距离不大于 z mm,则此标志点的检测将被视为精 确检测,否则被视为错误检测.该指标越高表示算法的 成功检测率越高.为方便同主流方法进行对比,本实验中使用与其他主流方法中相同的误差范围 z,即 2 mm、2.5 mm、3.0 mm、4.0 mm.

$$P_z = \frac{\text{number of accurate detection}}{\text{number of detection}} \times 100\%$$
(10)

3.4 损失函数权重系数实验

本部分实验用于探究损失监督学习与自监督学习 的损失函数中权重系数α的不同取值对实验结果的影 响. α代表了热点图损失和偏移图损失之间的权重比 例, 当α取值越高时, 表明热点图损失所占权重越高. 实 验结果如表 3 所示, 表中加粗数字表示最优结果.

表 3 损失函数权重系数实验结果

$\sim MPE(mm)$		SDR (%)					
a m	MAL (IIIII)	$P_{z=2.0 \text{ mm}}$	$P_{z=2.5 \text{ mm}}$	$P_{z=3.0 \text{ mm}}$	$P_{z=4.0 \text{ mm}}$		
1	1.33	79.89	86.78	91.52	95.94		
2	1.30	81.85	88.13	92.46	97.43		
3	1.28	82.67	88.86	93.03	97.39		
4	1.31	81.28	87.58	92.17	96.63		
5	1.34	81.05	86.61	91.05	95.54		

实验结果表明, α取值为 3 时模型效果最好. 当α < 3 时, 模型性能大体上随着α的增加而上升, 原因在于代 表概率的热点图包含了比偏移图更重要的信息, 因此 提升其权重有助于模型性能的提高; 当α > 3时, 模型性 能反而随着α的增加而下降, 原因在于热点图权重过高 时, 其所包含的误差信息权重也随之增加, 削弱了偏移 图所包含的正确信息的作用.

3.5 多分支空洞卷积参数实验

本部分实验用于探究多分支空洞卷积模块的不同 扩张率组合对实验结果的影响,其中空洞卷积的卷积 核大小设置为 3,即参数*k* = 3,参数*R*选取不同的取值 组合.实验结果如表 4 所示,表中加粗数字表示最优 结果.

从实验结果可以看出,较大的扩张率对于模型性 能有一定的提升作用,其原因在于较大的扩张率可以 更好地扩大模型的感受野,使模型可以更多地感知上 下文特征,避免了普通卷积核仅使用局部特征带来的 局限性.当参数*R*的取值为*R* = (*r*₁ = 1,*r*₂ = 2,*r*₃ = 5)时, 模型效果最优,此时 3 个分支的感受野大小分别为 3×3,5×5,11×11.

3.6 对比实验

在头影测量标志点定位的公开数据集上,将本文 所提出的算法与当前主流算法进行对比,实验结果如 表5所示,表中加粗数字表示最优结果.

表 4 多分支空洞卷积参数实验结果

D	MPF (mm)	SDR (%)					
ĸ		$P_{z=2.0 \text{ mm}}$	$P_{z=2.5 \text{ mm}}$	$P_{z=3.0 \text{ mm}}$	$P_{z=4.0 \text{ mm}}$		
$r_1 = 1, r_2 = 2$	1.33	81.03	86.88	91.49	95.87		
$r_1 = 1, r_2 = 5$	1.31	81.49	87.68	92.11	96.59		
$r_1 = 2, r_2 = 5$	1.30	81.92	88.02	92.42	96.82		
$r_1 = 1, r_2 = 2, r_3 = 5$	1.28	82.67	88.86	93.03	97.39		

表 5 不同算法对比实验结果

質決	MDE ()	SDR (%)					
异位	MRE (mm)	$P_{z=2.0 \text{ mm}}$	$P_{z=2.5 \text{ mm}}$	$P_{z=3.0 \text{ mm}}$	$P_{z=4.0 \text{ mm}}$		
Urschler等 ^[25]	_	70.21	76.95	82.17	89.01		
Payer等 ^[19]	_	73.33	78.76	83.24	89.75		
Yao等 ^[4]	1.39	79.66	86.65	90.79	95.91		
Chen等 ^[10]	1.29	82.02	88.74	92.74	97.14		
Oh等 ^[18]	1.29	82.08	88.06	92.34	96.92		
本文算法	1.28	82.67	88.86	93.03	97.39		

从实验结果可以看出,本文提出的模型效果在各 个指标上均超过了当前主流算法,这得益于模型在加 入拓扑结构约束后,能够更好地学习到医学影像中蕴 含的解剖结构信息,且多分辨率注意力机制和多分支 空洞卷积的使用也使得模型可以更有效地提取图像特 征,从而提升标志点定位的准确程度.

3.7 消融实验

本部分实验用于探究模型中各个模块对结果的作用,以探究拓扑结构约束、多分辨率注意力机制和多 分支空洞卷积对标志点自动定位效果的影响,实验结 果如表6所示,表中加粗数字表示最优结果.

			表 6 消融实验结	果				
タイタ II NI	打开放力	夕八端玄汴卒士] 多分支空洞卷积	MRE (mm)	SDR (%)			
多世分U-Net	加加加和何约本	多力州平在总力			$P_{z=2.0 \text{ mm}}$	$P_{z=2.5 \text{ mm}}$	$P_{z=3.0 \text{ mm}}$	$P_{z=4.0 \text{ mm}}$
\checkmark	×	×	×	1.38	79.52	86.72	90.93	95.47
\checkmark	\checkmark	×	×	1.34	80.91	86.74	90.91	95.62
\checkmark	\checkmark	\checkmark	×	1.32	81.22	87.12	91.77	96.04
\checkmark	\checkmark	\checkmark	\checkmark	1.28	82.67	88.86	93.03	97.39

从实验结果可以看出,加入拓扑结构约束后,模型 效果优于未使用拓扑结构约束的效果,这表明拓扑结 构约束对于模型性能有提升作用,且 SDR 指标的提高 表明拓扑结构约束也提升了模型的鲁棒性;加入多分 辨率注意力机制后,模型在各个指标上的表现均有提 高,这表明该机制有效增强了对图像中重要特征的关

180 软件技术•算法 Software Technique•Algorithm

注,并提升了模型预测的准确率;引入多分支空洞卷积 之后,模型的性能进一步提高,说明不同尺度的上下文 信息有助于模型预测标志点位置.消融实验结果验证 了拓扑结构约束、多分辨率注意力机制和多分支空洞 卷积对提升模型性能的有效性.

3.8 结果展示

19个解剖标志点各自的 MRE 如图 9 所示, 从图中 可以看出, 所有点的 MRE 均在 2.5 mm 以内, 17 个点 的 MRE 达到 2.0 mm 以内, 且 1、7、8、9、12、15 号 标志点的 MRE 可以达到 1.0 mm 以内, 由此可见本文 算法具有较高的定位精度, 而如 4、16 号标志点的 MRE 较高, 这可能是由于不同人的个体差异导致这两 个标志点在不同人的影像上位置有一定偏差, 对这些 标志点进行有针对性的优化也是未来的改进方向之一.



图 9 19 个解剖标志点的 MRE

图 10 为部分测试集图片的解剖标志点定位效果展示,第1 排为原始图像,第2 排为真实标志点与预测标 志点之间的误差对比图像,其中蓝色为真实标志点,绿 色为预测标志点.



图 10 解剖标志点定位效果展示 (真实标志点: 蓝; 预测标志点: 绿)

由图 10 可见,虽然不同影像中颅骨的形态有所不同,但本文算法依然可以在较低的误差范围内定位标 志点位置,由此可见本文算法在医学影像解剖标志点 定位任务上的优越性能.

4 总结

医学影像标志点定位的准确性对于临床诊疗具有 重要意义.本文针对医学影像标志点定位任务当前所 面临的问题,提出了一种基于拓扑结构约束和特征增 强的标志点定位算法,根据标志点所形成的拓扑结构 具有结构不变性的特点,为网络添加额外约束,使网络 提取更鲁棒的特征,以实现网络对解剖结构信息的利 用;多分辨率注意力机制的引入使模型更加关注重要 的图像区域,网络自动学习注意力系数图并为不同的 空间特征分配不同的权重,以提升模型的特征提取能 力;多分支空洞卷积结构在不增加模型参数量和计算 量的情况下增大网络的感受野,实现对不同尺度上下 文信息的融合利用,进一步提升了模型性能.基于公开 数据集的实验表明,本文提出的算法获得了较高的识 别精度,为目前公开发表的论文中性能较优的水平,具 有定位效果好、鲁棒性强的特点.未来在获得更多类 型的医学影像数据后,将在更广泛的数据集上验证本 文算法的有效性.

参考文献

- 1 上海交通大学人工智能研究院,上海市卫生和健康发展研究中心,上海交通大学医学院,等.中国人工智能医疗白皮书.https://www.080910t.com/wp-content/uploads/2020/03/2019-中国人工智能医疗白皮书.pdf. (2019-01-09).
- 2 Leonardi R, Giordano D, Maiorana F, *et al.* Automatic cephalometric analysis: A systematic review. The Angle Orthodontist, 2008, 78(1): 145–151. [doi: 10.2319/120506-49 1.1]
- 3 张蕊,李锦涛.基于深度学习的场景分割算法研究综述.计 算机研究与发展,2020,57(4):859-875. [doi: 10.7544/issn 1000-1239.2020.20190513]
- 4 Yao QS, He ZC, Han H, *et al.* Miss the point: Targeted adversarial attack on multiple landmark detection. Proceedings of the 23rd International Conference on Medical Image Computing and Computer Assisted Intervention. Lima: Springer, 2020. 692–702.
- 5 Oktay O, Schlemper J, Folgoc LL, *et al.* Attention U-Net: Learning where to look for the pancreas. arXiv: 1804.03999, 2018.
- 6 Chen LC, Papandreou G, Kokkinos I, *et al.* DeepLab: Semantic image segmentation with deep convolutional nets, atrous convolution, and fully connected CRFS. IEEE

Transactions on Pattern Analysis and Machine Intelligence, 2018, 40(4): 834–848. [doi: 10.1109/TPAMI.2017.2699184]

- 7 Gertych A, Zhang AF, Sayre J, *et al.* Bone age assessment of children using a digital hand atlas. Computerized Medical Imaging and Graphics, 2007, 31(4–5): 322–331. [doi: 10.101 6/j.compmedimag.2007.02.012]
- 8 Yang D, Zhang ST, Yan ZN, *et al.* Automated anatomical landmark detection on distal femur surface using convolutional neural network. Proceedings of 2015 IEEE 12th International Symposium on Biomedical Imaging (ISBI). Brooklyn: IEEE, 2015. 17–21.
- 9 Bier B, Unberath M, Zaech JN, et al. X-ray-transform invariant anatomical landmark detection for pelvic trauma surgery. Proceedings of the 21st International Conference on Medical Image Computing and Computer Assisted Intervention. Granada: Springer, 2018. 55–63.
- 10 Chen RN, Ma YX, Chen NL, et al. Cephalometric landmark detection by attentive feature pyramid fusion and regressionvoting. Proceedings of the 22nd International Conference on Medical Image Computing and Computer Assisted Intervention. Shenzhen: Springer, 2019. 873–881.
- Chen RN, Ma YX, Liu LJ, *et al.* Semi-supervised anatomical landmark detection via shape-regulated self-training. Neurocomputing, 2022, 471: 335–345. [doi: 10.1016/j.neucom. 2021.10.109]
- 12 Rueda S, Alcaniz M. An approach for the automatic cephalometric landmark detection using mathematical morphology and active appearance models. Proceedings of the 9th International Conference on Medical Image Computing and Computer-assisted Intervention. Copenhagen: Springer, 2006. 159–166.
- 13 Kafieh R, Mehri A, Sadri S. Automatic landmark detection in cephalometry using a modified active shape model with sub image matching. Proceedings of 2007 International Conference on Machine Vision. Isalambad: IEEE, 2007. 73–78.
- 14 Lindner C, Bromiley PA, Ionita MC, et al. Robust and accurate shape model matching using random forest regression-voting. IEEE Transactions on Pattern Analysis and Machine Intelligence, 2015, 37(9): 1862–1874. [doi: 10. 1109/TPAMI.2014.2382106]
- Thuong LT, Hieu PC. An approach for efficient detection of cephalometric landmarks. Procedia Computer Science, 2014, 37: 293–300. [doi: 10.1016/j.procs.2014.08.044]

- 16 Jetwani DP, Kumar S, Sardana HK. Cephalometric landmark identification using fuzzy wavelet edge detector. Proceedings of 2011 IEEE International Symposium on Medical Measurements and Applications. Bari: IEEE, 2011. 349–353.
- 17 Zhang J, Liu MX, Shen DG. Detecting anatomical landmarks from limited medical imaging data using two-stage taskoriented deep neural networks. IEEE Transactions on Image Processing, 2017, 26(10): 4753–4764. [doi: 10.1109/TIP.201 7.2721106]
- 18 Oh K, Oh IS, Le VNT, *et al.* Deep anatomical context feature learning for cephalometric landmark detection. IEEE Journal of Biomedical and Health Informatics, 2021, 25(3): 806–817. [doi: 10.1109/JBHI.2020.3002582]
- 19 Payer C, Štern D, Bischof H, et al. Integrating spatial configuration into heatmap regression based CNNs for landmark localization. Medical Image Analysis, 2019, 54: 207–219. [doi: 10.1016/j.media.2019.03.007]
- 20 Ronneberger O, Fischer P, Brox T. U-Net: Convolutional networks for biomedical image segmentation. Proceedings of the 18th International Conference on Medical Image Computing and Computer-assisted Intervention. Munich: Springer, 2015. 234–241.
- 21 Honari S, Molchanov P, Tyree S, *et al.* Improving landmark localization with semi-supervised learning. Proceedings of 2018 IEEE/CVF Conference on Computer Vision and Pattern Recognition. Salt Lake City: IEEE, 2018, 1546–1555.
- 22 Wang CW, Huang CT, Lee JH, *et al.* A benchmark for comparison of dental radiography analysis algorithms. Medical Image Analysis, 2016, 31: 63–76. [doi: 10.1016/j.me dia.2016.02.004]
- 23 Deng J, Dong W, Socher R, *et al.* Imagenet: A large-scale hierarchical image database. Proceedings of 2009 IEEE Conference on Computer Vision and Pattern Recognition. Miami: IEEE, 2009. 248–255.
- 24 Simonyan K, Zisserman A. Very deep convolutional networks for large-scale image recognition. arXiv: 1409.1556, 2014.
- 25 Urschler M, Ebner T, Štern D. Integrating geometric configuration and appearance information into a unified framework for anatomical landmark localization. Medical Image Analysis, 2018, 43: 23–36. [doi: 10.1016/j.media.201 7.09.003]

(校对责编:孙君艳)